

Contributors to this Issue

Abbot S. C.	1233	Kamoda S.	1139
Andersen K.	1159	Kempf D. J.	1185
Anderson S. M.	1203	Killar L. M.	1199
Araldi G.-L.	1203	Kinzel O.	1143
Asami T.	1139	Kirihata M.	1135
Aszodi J.	1209	Kobayashi M.	1139
Bachand B.	1181	Krogsgaard-Larsen P.	1159
Barone D.	1199	Kuwahara M.	1167
Betebenner D. A.	1185	Lauffer D. J.	1225
Bianchi E.	1143	Leblond L.	1181
Black R. A.	1199	Lee K.-S. S.	1203
Bradbury A. E.	1203	Lesieur D.	1149
Broka C. A.	1233	Lévesque S.	1181
Cameron P. M.	1219	Levin J. I.	1195
Chan C. S.	1233	Levin J. I.	1199
Chantegrel B.	1153	Liverton N.	1219
Chen J. M.	1195	Mamedova L.	1203
Chen J. M.	1199	March C. J.	1199
Chen X.	1185	Martin R. L.	1233
Cotte-Pattat N.	1153	Masud M. M.	1167
Cowling R.	1199	McDonnell M. E.	1189
Cubbon R. M.	1219	Meinke P. T.	1219
Cui J. J.	1203	Mellor I. R.	1159
Cummings R. T.	1219	Minami N. K.	1203
Cunningham B. R.	1219	Minoshima Y.	1163
Dankwardt S. M.	1233	Mitsumoto Y.	1163
Dax S. L.	1189	Miyatake T.	1229
DeMartino J. A.	1219	Mock W. L.	1193
Deshayes C.	1153	Mohler K. M.	1199
Didier-Laurent S.	1209	Monti F.	1209
Dini C.	1209	Mouithys-Mickalad A.	1149
Doutheau A.	1153	Mullican M. D.	1225
Drochon N.	1209	Nakade K.	1163
Du M. T.	1199	Neagoe I.	1159
Dubin A. E.	1189	Nelson F. C.	1199
Edmunds J. J.	1181	Nolan T. G.	1203
Fattori D.	1143	Norbeck D. W.	1185
Feteanu S.	1209	Obayashi T.	1167
Frankshun R.	1219	Ohta T.	1135
Fukuyama Y.	1163	Oohashi H.	1171
Gibson T. S.	1203	Ozaki A. N.	1167
Guillot J. C.	1209	Ozaki H.	1167
Han S.	1139	Pergament I.	1215
Ho J. Z.	1203	Pessi A.	1143
Ingallinella P.	1143	Plattner J. J.	1185
Inoue H.	1139	Pluteanu F.	1159
Itani H.	1171	Poupaert J. H.	1149
Jaroszewski J. W.	1159	Préville P.	1181
Jin G.	1195	Reddy K. M.	1203
Jin G.	1199	Reich R.	1215

Cover Photograph, *Bioorganic & Medicinal Chemistry Letters*

2002: Representation of the inhibitor celecoxib in the active site of the COX-2 enzyme. The model has been derived from the 1cx2 crystal structure via docking and force-field calculations [Price, M. L. P.; Jorgensen, W. L. *J. Am. Chem. Soc.* **2000**, *122*, 9455–9466]. Monte Carlo simulations have then been used to develop a computational model to reproduce the observed activities of 45 celecoxib analogues [Wesolowski, S. S.; Jorgensen, W. L. *Bioorg. Med. Chem. Lett.* **2002**, *12*, 267]. In the illustration, the shading reflects the distance between atoms of the inhibitor and the protein: the more red, the shorter the distance. The deep red region near the sulfonamide group includes residues H/R 513 and I/V 523, which provide the primary differences between the COX-1 and COX-2 binding sites. The figure was prepared using the Sybyl program by Dr. Erin M. Duffy.

Reiner J. E.	1203	Sung A.	1195
Reverchon S.	1153	Sung A.	1199
Saburi Y.	1139	Supuran C. T.	1177
Saga Y.	1229	Tabuchi S.	1171
Saito T.	1139	Tamiaki H.	1229
Sakata Y.	1171	Tanimori S.	1135
Saldivar A.	1185	Tarazi M.	1181
Satoh Y.	1171	Terada T.	1139
Sawai H.	1167	Thompson J. E.	1219
Scozzafava A.	1177	Uridat E.	1209
Sekimata K.	1139	Usherwood P. N. R.	1159
Semple J. E.	1203	Van Wart H. E.	1233
Sham H. L.	1185	Vasavanonda S.	1185
Shinozaki K.	1139	Vu P. H.	1203
Siddiqui M. A.	1181	Walker K. A. M.	1233
Siev D. V.	1203	Weng Y.	1219
Skala S.	1199	Wicker L. S.	1219
Skotnicki J. S.	1199	Winocour P. D.	1181
Spampinato S.	1149	Yokoyama R.	1163
Springman E. B.	1233	Yoshida S.	1139
Srebnik M.	1215	Zhai H.	1163
Stanford D. J.	1193	Zhang J.	1209
St-Denis Y.	1181	Zhang S.-P.	1189
Strømgaard K.	1159		